



LMD5 — Fiche UE du département Biologie-Écologie

Niveau : M1 S7

Intitulé : Traitement avancé des données (Modèles généralisés mixtes) (TAD)

Code : HAB712B

Responsable(s) : Julien CLAUDE

Co-responsable(s) : Céline DEVAUX

Contact(s) : julien.claude [at] umontpellier.fr, celine.devaux [at] umontpellier.fr

Moodle : Traitement avancé des données biologiques

Nombre ECTS : 2

Nombre d'heures : CM = 6 — TD = 6 — TP = 3 — Terrain = 0 — Séminaires = 0 — SPS = 0

Statut par parcours : B2I (Choix), BioGET1 (Choix), BioGET2 (Choix), CEPAGE (Choix), DARWIN (Choix), EcoSystèmes (Choix), EGEN (Choix), MédiACCES (Choix), MEME (-), PAL (), Agreg (-).

Description de l'UE :

Modèles linéaires généralisés mixtes + méthodologie et protocoles expérimentaux pour prendre en compte une réalité biologique : loi autre que normale et pseudo-réplication

optimisation de protocoles, puissance et risque de 1ère espèce non contrôlé : transformation de variable, régression polynomiale, fonction de lien, vraisemblance, sélection de modèles

analyse de déviance et goodness of fit

incorporation des blocs, des mesures répétées dans le temps, prise en compte de la corrélation spatiale et temporelle, de la sur-dispersion

représentation graphique des prédictions

Compétences visées (Savoir, Savoir-Faire, Savoir-Être) : prise en compte de la complexité biologique dans les analyses et leurs représentations graphiques

Prérequis (compétences et/ou UE) :

maîtrise des modèles linéaires à plusieurs variables explicatives (EVA)

Modalités de contrôle des connaissances : Contrôle continu intégral : 100%



Informations additionnelles : "Envisagée par Ecosystèmes, EIE, Access, Cepage, Conservation, Darwin ; Optionnelle pour EcoEpi
contrainte car doit être après EVA. UE mutualisée avec mention GE"